



**Parte A. DATOS PERSONALES**

**Fecha del CVA** SEP.2019

Nombre y apellidos	Gabriel Gutiérrez Pozo		
DNI/NIE/pasaporte	29780947H	Edad	53
Núm. identificación del investigador	Researcher ID	S-7646-2017	
	Código Orcid	0000-0002-1354-2883	

**A.1. Situación profesional actual**

Organismo	Universidad de Sevilla		
Dpto./Centro	Genética		
Dirección	Facultad de Biología. U. de Sevilla. Apt. 1095. 41080 Sevilla		
Teléfono	954557112	correo electrónico	<a href="mailto:ggpozo@us.es">ggpozo@us.es</a>
Categoría profesional	Catedrático Universidad	Fecha inicio	2018
Espec. cód. UNESCO	2409		
Palabras clave	Evolución molecular-bioinformática-genética		

**A.2. Formación académica (título, institución, fecha)**

Licenciatura/Grado/Doctorado	Universidad	Año
Doctor Biología	Sevilla	1994

**A.3. Indicadores generales de calidad de la producción científica (véanse instrucciones)**

- Sexenios de investigación: 4.
- Tesis dirigidas: 1.
- Suma total citas: 900.
- h-index: 19.
- Artículos totales JCR articles:43.
- Total first quartile publications: 39.

**Parte B. RESUMEN LIBRE DEL CURRÍCULUM**

Llevo publicando artículos que utilizan herramientas informáticas aplicadas a la biología molecular desde 1993. Tengo una larga experiencia en el análisis de datos de secuencias de ADN y proteínas, análisis masivo de datos, genómica etc. Soy experto en técnicas de reconstrucción filogenética y en general en el estudio de la evolución molecular.

**Parte C. MÉRITOS MÁS RELEVANTES**

**C.1. Publicaciones (ÚLTIMOS 5 AÑOS)**

Alvarez-Escribano I, Sasse C, Bok, JW, Na H, Amirebrahimi M, Lipzen A, Schackwitz W, Martin J, Barry K, Gutiérrez G, Cea S, Marcos AT, Grigoriev IV, Keller NP, Braus GH, Canovas D (2019) Genome sequencing of evolved *Aspergilli* populations reveals robust genomes, transversions in *A. flavus*, and sexual aberrancy in non-homologous end-joining mutants. BMC Biology (en prensa).

Mejias A, Diez-Hernando S, Ganfornina MD, Gutierrez G, Sanchez D (2019) .Characterization of mammalian Lipocalin UTRs in silico: Predictions for their role in post-transcriptional regulation. PLoS One.6;14(3):e0213206.

Ojeda-López M, Chen W, Eagle CE, Gutiérrez G, Jia L, Swilaiman SS, Huang, Park H-S, Yu J-H, Cánovas D and Dyer PS (2018) Evolution of asexual and sexual reproduction in the *aspergilli*. Studies in Mycology 91:37-59.

- García-Pastor L, Sánchez-Romero MA, Gutiérrez G, Puerta-Fernández E and Casadesús J (2018) Formation of phenotypic lineages in *Salmonella enterica* by a pleiotropic fimbrial switch. *PLOS Genetics* 14 (9): e1007677.
- Vallesi A, Sjödin A, Petrelli D, Luporini P, Taddei AR, Thelaus J, Öhrman C, Nilsson E, Di Giuseppe G, Gutiérrez G and Villalobo E (2018) A new species of the  $\alpha$ -proteobacterium *Francisella*, *F. adeliensis* sp. nov., endocytobiont in an Antarctic marine ciliate and potential evolutionary forerunner of pathogenic species. *Microbial Ecology* (doi: 10.1007/s00248-018-1256-3 Epub ahead of print).
- Gutiérrez G, Chistyakova LV, Villalobo E, Kostygov AY and Frolov AO (2017) Identification of *Pelomyxa palustris* endosymbionts. *Protist* 168:408-424.
- Gutiérrez G, Millán-Zambrano G, Medina DA, Jordán-Pla A, Pérez-Ortín JE, Peñate X, Chávez S (2017) Subtracting the sequence bias from partially digested MNase-seq data reveals a general contribution of TFIIIS to nucleosome dynamics. *Epigenetics & Chromatin* 10:58.
- Rodríguez-Mateo C, Torres B, Gutiérrez G and Pintor-Toro JA (2017) Downregulation of *Lnc-Spry1* Mediates TGF- $\beta$ -induced Epithelial-Mesenchymal Transition by Transcriptional and Post-Transcriptional Regulatory Mechanisms. *Cell Death & Differentiation* 24, 785-797.
- Corrochano LM, Kuo A, Marcet-Houben M, Polaino S, Salamov A, Villalobos-Escobedo JM, Grimwood J, Álvarez MI, Avalos J, Bauer D, Benito EP, Benoit I, Burger G, Camino LP, Cánovas D, Cerdá-Olmedo E, Cheng JF, Domínguez A, Eliáš M, Eslava AP, Glaser F, Gutiérrez G, Heitman J, Henrissat B, Iturriaga EA, Lang BF, Lavín JL, Lee SC, Li W, Lindquist E, López-García S, Luque EM, Marcos AT, Martin J, McCluskey K, Medina HR, Miralles-Durán A, Miyazaki A, Muñoz-Torres E, Oguiza JA, Ohm RA, Olmedo M, Orejas M, Ortiz-Castellanos L, Pisabarro AG, Rodríguez-Romero J, Ruiz-Herrera J, Ruiz-Vázquez R, Sanz C, Schackwitz W, Shahriari M, Shelest E, Silva-Franco F, Soanes D, Syed K, Tagua VG, Talbot NJ, Thon MR, Tice H, de Vries RP, Wiebenga A, Yadav JS, Braun EL, Baker SE, Garre V, Schmutz J, Horwitz BA, Torres-Martínez S, Idnurm A, Herrera-Estrella A, Gabaldón T and Grigoriev IV (2016) Expansion of signal transduction pathways in fungi by extensive genome duplication. *Current Biology* 26:1-8.
- Tagua VG, Pausch M, Eckel M, Gutiérrez G, Miralles-Durán A, Sanz C, Eslava AP, Pokorny R, Corrochano LM and Batschauer A (2015) A fungal cryptochrome with DNA repair activity reveals an early stage in cryptochrome evolution. *PNAS* 112(49):15130-5.
- Muñoz-Galván S, Gutiérrez G, Pérez M and Carnero A (2015) MAP17 (PDZKIP1) expression determines sensitivity to the proteasomal inhibitor bortezomib by preventing cytoprotective autophagy and NF $\kappa$ B activation in breast cancer. *Molecular Cancer Therapeutics* 14:1454-65.
- Jimeno-González S, Payán-Bravo L, Muñoz-Cabello AM, Guijo M, Gutiérrez G, Prado F, Reyes JC (2015) Defective histone supply causes changes in RNA polymerase II elongation rate and cotranscriptional pre-mRNA splicing. *PNAS* 112:14840-5.
- Cánovas D, Marcos AT, Gacek A, Ramos MS, Gutiérrez G, Reyes-Domínguez Y and Strauss J (2014) The Histone Acetyltransferase GcnE (GCN5) Plays a Central Role in the Regulation of *Aspergillus* Asexual Development. *Genetics* 197:1175-89.
- Molina-Pinelo S, Gutiérrez G, Pastor MD, Hergueta M, Moreno-Bueno G, García-Carbonero R, Nogal A, Suárez R, Salinas A, Pozo-Rodríguez F, Lopez-Rios F, Agulló-Ortuño MT, Ferrer I, Perpiñá A, Palacios J, Carnero A and Paz-Ares L (2014) MicroRNA-dependent regulation of transcription in non-small cell lung cancer. *PLoS One* 9(3): e90524.
- Cardenal-Muñoz E, Gutiérrez G and Ramos-Morales F (2014) Global impact of *Salmonella* type III secretion effector SteA on host cells. *Biochemical and Biophysical Research Communications* 449:419-424.

## **C.2. Proyectos (ÚLTIMOS 5 AÑOS)**

El Complejo Mad y la Regulación de la Transcripción por la Luz en el Hongo *Phycomyces blakesleeanus*. P09-CVI-5027. Junta Andalucía. Director: Luis. M. Corrochano. 2010-2014.

Conflicto y Separación de Sexos: Efectos de la Hercogamia en el Sistema de Reproducción de Plantas Hermafroditas. CGL2013-45037-P. Ministerio de Economía y Competitividad. Director: Juan Arroyo. 2014-2017.

La Regulación del Regulador: Estabilidad y Localización de Velvet Durante la Conidiación y la Biosíntesis de Carotenoides en *Neurospora*. Directores: Luis M. Corrochano y David Cánovas. BIO2015-67148-R. Ministerio de Economía y Competitividad. 2016-2019

.Regulación de la Degradación, Transporte al Núcleo y Formación de Complejos de Ve-1 Durante el Desarrollo y la Biosíntesis de Carotenoides en *Neurospora Crassa* (RTI2018-098636-B-I00. Directores: Luis M. Corrochano y David Cánovas. Ministerio de Ciencia, Innovación y Universidades. 2019-2021